Unilabs Diagnostics k. s.
Sídlo: Evropská 2589/33b, 160 00 Praha 6
Klientské centrum: tel. 800 737 383, e-mail: klienti@unilabs.com
Přehled odběrových míst naleznete na **www.unilabs.cz**

CENÍK GENETICKÝCH VYŠETŘENÍ

společnosti Unilabs Diagnostics k. s.

platný od 1. 9. 2026

ceny bez DPH/**ceny s DPH**

TYPY TESTŮ

PREDISPOZICE K ŽILNÍM TROMBÓZÁM A ATEROSKLERÓZE

Faktor II Protrombin (G20210A) *Diagnóza: D68.9* *2	1 140/**1 277**
Faktor V Leiden (G1691A) *Diagnóza: D68.9* *2	1 140/**1 277**
Faktor II Protrombin + Faktor V Leiden	1 330/**1 490**
Faktor V R2 (H1299R)	1 340/**1 501**
Faktor XIII (V34L) *Diagnóza: D68.9*	1 140/**1 277**
PAI-1 (4G/5G) *Diagnóza: D68.9*	1 140/**1 277**
MTHFR (C677T, A1298C) *není hrazeno z veřejného zdravotního pojištění*	1 625/**1 820**
ß-fibrinogen (-455G>A) – zvýšené riziko infarktu myokardu a ischemické mozkové příhody *Diagnóza: D68.9*	1 190/**1 333**
ApoB (R3500Q) – familiární hypercholesterolemie a zvýšené riziko aterosklerózy *Diagnóza: E78.9*	1 128/**1 263**
ApoE (E2/E3/E4) – zvýšené riziko Alzheimerovy choroby a časného infarktu myokardu *Diagnóza: E78.9*	2 163/**2 423**
Glykoprotein GPIa (C807T) – zvýšené riziko infarktu myokardu a ischemické mozkové příhody	1 128/**1 263**
Glykoprotein GPIIIa (L33P) – trombocytopenie, rizikový faktor časného infarktu myokardu a mozkové příhody *Diagnóza: D68.9*	1 128/**1 263**
ACE (Ins/Del) – predispozice k hypertenzi *Diagnóza: Z86.7*	1 420/**1 590**
LTA (C804A) – silně prozánětlivý faktor spojen s koronárními onemocněními	1 050/**1 176**

GENETICKY PODMÍNĚNÁ ONEMOCNĚNÍ

Cystická fibróza (68 nejčastějších patogenních variant vč. polyT a polyTG v genu CFTR) *Diagnóza: E84.8* *2	6 682/**7 484**
Delece AZF na chromozómu Y *(AZFa,b,c) Diagnóza: N46* *2	3 905/**4 374**
Spinální muskulární atrofie (delece/duplikace exonů 7 a 8 v genech SMN1 a SMN2) *Diagnóza: Z82.7* *2	4 999/**5 599**
Fragilní X (stanovení počtu CGG repetic v promotoru genu FMR1) *Diagnóza: Z82.7* *2	5 728/**6 415**
Prelinguální hluchota – vrozená nesyndromová ztráta sluchu (všechny varianty v kódující sekvenci a intronová varianta c.-23+1G>A genu GJB2) *Diagnóza: Z82.2* *2	6 422/**7 193**
Bechtěrevova nemoc – ankylozující spondylitida (přítomnost alely HLA-B*27) *Diagnóza: M45.0* *2	1 080/**1 210**
Osteoporóza (přítomnost predispozičních alel v genech VDR a COLIA1)	1 906/**2 135**
Revmatoidní artritida (průkaz sdíleného epitopu u všech známých HLA-DRB1 alel a rozlišení homozygotů a heterozygotů)	8 676/**9 717**
Narkolepsie (průkaz predispozičního haplotypu DRB1*1501 – DQA1*0102 – DQB1*0602)	2 467/**2 763**
KREC/TREC (vyšetření primárních imunodeficiencí – SCID a XLA) *Požadovaný materiál: nesrážlivá krev (EDTA) nebo terčík z Guthrieho karty*	1 375/**1 540**
Celiakie – predispozice k abnormální imunitní odpovědi na lepek (DQA1, DQB1, serologické ekvivalenty DQ2 a DQ8) *Diagnóza: K90.0*	1 923/**2 154**
Laktózová intolerance (varianty -13910C>T a -22018G>A v genu LCT) *Diagnóza: E73.9* *2	1 813/**2 031**
Histaminová intolerance (vyšetření 4 variant v genu pro DAO asociovaných s její sníženou produkcí a aktivitou)	2 186/**2 448**
Fruktózová intolerance (varianty A149P, A174D, N334K a delece del4E4 v genu ALDOB)	3 226/**3 613**
Chronická pankreatitida (vyšetření nejčastějších patogenních variant v genech PRSS1 a SPINK1)	4 851/**5 433**
Chronická pankreatitida (68 nejčastějších patogenních variant vč. polyT a polyTG v genu CFTR)	5 899/**6 607**
Chronická pankreatitida (detekce delecí/duplikací v genech PRSS1, SPINK1 a CTRC)	4 786/**5 360**
Crohnova choroba (varianty R702W, G908R, 3020insC v genu NOD2/CARD15)	2 582/**2 892**
Astma (varianty R16G a Q27E v genu ADRB2)	1 920/**2 150**
Sklerodermie (varianta -945C>G v genu CTGF)	1 155/**1 294**
Psoriáza – Lupénka (genetická predispozice HLA-C*06)	1 566/**1 754**
Ichtyóza (nejčastější varianty v genu FLG)	13 876/**15 541**
Androgenní alopecie (vyšetření 5 predispozičních variant v genech EDA2R a AR)	2 879/**3 224**
HLA typizace (typizace lokusů HLA-A, HLA-B a HLA-DR)	6 944/**7 777**
Rezistence vůči viru HIV (varianta chemokinového receptoru CCR5)	2 711/**3 036**
α-1 antitrypsin (varianty PI*S = E288V a PI*Z = E366K v genu SERPINA1) *Diagnóza: Z87.0* *2	1 976/**2 213**
Gilbertův syndrom – chronická nekonjugovaná hyperbilirubémie (inzerce nukleotidů TA v promotoru genu UGT1A1; detekce alely UGT1A1*28)	1 145/**1 282**
Hemochromatóza – porucha metabolismu železa (varianty C282Y, H63D, S65C v genu HFE) *Diagnóza: E83.1*	2 072/**2 321**
alfa-talasémie (detekce 21 patogenních variant v genech HBA1 a HBA2)	7 692/**8 615**
beta-talasémie (detekce 22 patogenních variant v genu HBB)	7 698/**8 622**
Metabolismus mědi (vyšetření nejčastějších patogenních variant v genu ATP7B)	12 402/**13 890**

Odběr vzorku k vyšetření lidské DNA byl proveden s informovaným souhlasem pacienta.
Souhlas je založen v lékařské dokumentaci pacienta.

Pacient souhlasí: ☐ **s uložením vzorku pro další analýzu**
☐ **s uložením a anonymním využitím DNA k lékařskému výzkumu**

DĚDIČNÁ NÁDOROVÁ ONEMOCNĚNÍ

Zašlete, prosím, dva nezávislé odběry nesrážlivé krve (EDTA), pro případné ověření pozitivního výsledku.

Karcinom prsu, vaječníků a prostaty (NGS) – geny BRCA1 a BRCA2 – analýza celých genů, jejich kódujících oblastí a míst sestřihu	12 671/**14 192**
Karcinom prsu, vaječníků a prostaty (MLPA) – geny BRCA1 a BRCA2 – vyšetření velkých genových přestaveb	7 231/**8 099**
Karcinom prsu a vaječníků – rozšířený NGS panel 21 genů (analýza celých genů, jejich kódujících oblastí a míst sestřihu: ATM, BARD1, BRCA1, BRCA2, BRIP1, CDH1, CDK12, FAM175A, FANCD2, CHEK2, MRE11, MSH6, NBN, PALB2, PMS2, RAD51B, RAD54L, TP53, RAD50, RAD51C, RAD51D)	16 620/**18 614**
Karcinom prostaty – rozšířený NGS panel 26 genů (analýza celých genů, jejich kódujících oblastí a míst sestřihu: AKT1, APC, AR, ATM, BRAF, BRCA1, BRCA2, CDH1, CDK12, CTNNB1, HOXB13, CHEK2, IDH1, KRAS, MED12, MLH1, MSH2, MSH6, MYC, PIK3CA, PIK3R1, PMS2, PTEN, RB1, SPOP, TP53)	16 620/**18 614**
Kolorektální karcinom a karcinom pankreatu – NGS panel 13 genů (analýza celých genů, jejich kódujících oblastí a míst sestřihu: APC, BRAF, CTNNB1, KRAS, MLH1, MSH2, MSH6, MYC, PIK3CA, PMS2, PTEN, STK11, TP53)	15 581/**17 451**
Kolorektální karcinom – Lynchův syndrom (MLPA) – geny MLH1 a MSH2 – vyšetření velkých genových přestaveb	5 478/**6 135**
Kolorektální karcinom – Lynchův syndrom (MLPA) – gen PMS2 – vyšetření velkých genových přestaveb	5 478/**6 135**
Kolorektální karcinom – Lynchův syndrom (MLPA) – geny EPCAM, MSH6 a MUTYH – vyšetření velkých genových přestaveb	5 478/**6 135**
Kolorektální karcinom – polypózní (MLPA) – gen APC – vyšetření velkých genových přestaveb	5 478/**6 135**
Nádorové syndromy – NGS panel 50 genů (analýza celých genů, jejich kódujících oblastí a míst sestřihu: AKT1, APC, AR, ATM, ATR, BARD1, BLM, BRAF, BRCA1, BRCA2, BRIP1, CDH1, CDK12, CTNNB1, EPCAM, FAM175A, FANCD2, GATA3, GEN1, HOXB13, CHEK2, IDH1, KRAS, MED12, MLH1, MRE11, MSH2, MSH6, MUTYH, MYC, NBN, NF1, PALB2, PIK3CA, PIK3R1, PMS2, PTEN, RAD50, RAD51B, RAD51C, RAD51D, RAD54L, RB1, RET, SPOP, STK11, TP53, VHL, WT1, XRCC2)	36 357/**40 720**
Ověření konkrétní varianty – uveďte referenční sekvenci dle hg19, symbol genu a přesný zápis varianty dle HGVS (např. NM_007294.4(BRCA1):c.3748G>T):	4 029/**4 512**

VZÁCNÁ GENETICKÁ ONEMOCNĚNÍ

Autozánětlivá onemocnění (analýza celých genů, jejich kódujících oblastí a míst sestřihu: ACP5, ADA2, ADAM17, ADAR, CARD14, COPA, ELANE, HOIL1, IFIH1, IL1RN, IL10, IL10RA, IL10RB, IL36RN, LPIN2, MEFV, MVK, NLRC4, NLRP1, NLRP3, NLRP12, NOD2, OTULIN, PLCG2, PSMB8, PSTPIP1, RNASEH2A, RNASEH2B, RNASEH2C, SAMHD1, SH3BP2, SLC29A3, TMEM173, TNFAIP3, TNFRSF1A, TREX1)	20 775/**23 268**
Ichtyózy (analýza celých genů, jejich kódujících oblastí a míst sestřihu: ABCA12, ALOX12, ALOX12B, ALOXE3, CERS3, CYP4F22, KRT1, KRT2, KRT10, NIPAL4, PNPLA1, SPINK5, STS, TGM1)	20 775/**23 268**

Legenda: ***1** Zaškrtnutím tohoto políčka bude k výkonu účtováno DPH. Vyšetření s léčebným cílem nebo chránící lidské zdraví dle § 58 odst. 1 zákona č. 235/2004, o dani z přidané hodnoty je od DPH osvobozeno.

***2** U těchto genetických vyšetření je možnost použít i jiné diagnózy, jejichž rozsah je uveden v dokumentu VZP „Stratifikace odb. 816“. V případě zvolení jiné než uvedené diagnózy musí být tato diagnóza v souladu s tímto dokumentem.

Odběr vzorku k vyšetření lidské DNA byl proveden s informovaným souhlasem pacienta. Souhlas je založen v lékařské dokumentaci pacienta.

Pacient souhlasí: ☐ **s uložením vzorku pro další analýzu**

☐ **s uložením a anonymním využitím DNA k lékařskému výzkumu**

FARMAKOGENETIKA

Metabolismus Thiopurinů – stanovení genotypu ovlivňujícího metabolismus thiopurinů (gen TPMT alely *1, *2, *3A, *3B, *3C) *Diagnóza: E88.8*	2 865/**3 209**
Metabolismus Warfarinu – stanovení genotypu ovlivňujícího dávkování warfarinu (polymorfismy v cytochromu CYP2C9*1, *2, *3, a genu VKORC1) *Diagnóza: E88.8*	4 173/**4 674**
Metabolismus antikoagulancií, antidepresiv, antiepileptik, inhibitorů protonové pumpy, antikonvulziv, hypnotik, sedativ, antimalarik, antiretrovirik, antimykotik aj. (gen CYP2C19 alely *1, *2, *3, *17) *Diagnóza: E88.8*	2 657/**2 976**
Metabolismus léčiv, např. kodeinu, tramadolu, antidepresiv, analgetik, antipsychotik aj. (stanovení rychlosti metabolismu léčiv a vhodnosti jejich **užívání s ohledem na genotyp genu CYP2D6**)	4 710/**5 275**
Metabolismus xenobiotik – schopnost detoxikačních enzymů odbourávat **karcinogeny, volné radikály, toxiny a léčiva (varianty genu GST: GST-T1, GST-M1, GST-P1)**	4 873/**5 458**
Riziko myopatií při léčbě statiny (stanovení přítomnosti rizikové varianty v **genu SLCO1B1**)	2 778/**3 111**
Metabolismus myorelaxans, např. suxamethonia, mivacuria (gen BCHE alely A, K, F1, F2, S1)	2 454/**2 748**
Toxicita Irinotecan (gen UGT1A1)	1 440/**1 613**

ONKOHEMATOLOGIE

Odebrat min. 6 ml nesrážlivé krve (EDTA). Krev uložit při teplotě do 8 °C bezprostředně po odběru. Klinický materiál odeslat co nejdříve do laboratoře.

JAK2 – polycytemia vera (somatická varianta V617F v genu JAK2)	4 290/**4 805**
JAK2 exon 12 – polycytemia vera (nejčastější varianty v exonu 12 genu JAK2)	3 307/**3 704**
Stanovení fúzního genu BCR-ABL – Ph1 chromozom (přestavby M-bcr, m-bcr a µ-bcr) – *prosíme o samostatný odběr*	4 533/**5 077**
Calreticulin – myeloproliferativní neoplasie (nejčastější varianty v exonu 9 genu CALR – del52bp, ins5bp)	2 331/**2 611**
MPL – myeloproliferativní neoplasie (nejčastější varianty v exonu 10 genu MPL – W515L, W515K, W515A, S505N)	2 319/**2 597**
Myeloidní panel – DNA (vyšetření nejčastějších somatických variant v DNA u pacientů s AML, MDS, MPN, CML, aj.)	22 374/**25 059**
Myeloidní panel – RNA (vyšetření nejčastějších genových fúzí a abnormální exprese u pacientů s AML, MDS, MPN, CML, aj.)	17 006/**19 047**

DALŠÍ POŽADAVKY A POZNÁMKY: